

# EGFR 的突变异质性及在肺腺癌中 对 EGFR-TKI 反应的不一致性

评价者:周彩存<sup>1</sup>

文献合成者:林 欢<sup>2</sup>

(1. 上海市肺科医院肿瘤科, 上海 200433;

2. 广东省人民医院肿瘤中心、广东省医学科学院、广东省肺癌研究所, 广州 510080)



周彩存,男,1962 年 9 月生,医学博士,主任医师,教授,博士研究生导师。现任同济大学医学院肿瘤研究所所长,肿瘤学系主任,附属肺科医院肿瘤科和临床药理机构主任。中国抗癌协会肺癌专业委员会常委,中国临床肿瘤学会(CSCO)执委会委员,上海市抗癌协会理事,上海市肺科学会和肿瘤学会委员;美国临床肿瘤学会(ASCO)和国际肺癌研究会(ISALC)会员。《临床肿瘤学杂志》、《中国肺癌杂志》、《肿瘤》等杂志编委。曾在日本留学二年,美国进修半年。在国内外期刊上发表学术论文 100 余篇。主要研究方向为肺癌综合个体化治疗和生物靶向治疗等。目前主持国家 863、自然科学基金和上海市科委重大攻关等课题 5 项。

[关键词] 肺肿瘤;表皮生长因子受体;转移;异质性

[中图分类号] R734.2

[文献标识码] A

DOI:10.3969/j.issn.1671-5144.2013.01.008

**EGFR Mutation Heterogeneity and the Mixed Response to EGFR Tyrosine Kinase Inhibitors of Lung Adenocarcinomas**// Reviewer: ZHOU Cai-cun<sup>1</sup>, Literature Co-worker: LIN Huan<sup>2</sup>

**Key words:** lung neoplasms; epidermal growth factor receptor; metastasis; heterogeneity

**Reviewer's address:** Oncology Department, Shanghai Pulmonary Hospital, Shanghai 200433, China

## 1 文献来源

Chen ZY, Zhong WZ, Zhang XC, et al. EGFR mutation heterogeneity and the mixed response to EGFR tyrosine kinase inhibitors of lung

adenocarcinomas[J]. The Oncologist, 2012,17(7): 978-985.

## 2 证据水平

2c。

## 3 背景

表皮生长因子受体(epidermal growth factor receptor, EGFR)突变的非小细胞肺癌(non-small cell lung cancer, NSCLC)患者对酪氨酸激酶抑制剂(tyrosine kinase inhibitors, TKI)的药物反应不一致。

## 4 目的

对 EGFR 基因突变的肿瘤的异质性进行研究。

## 5 研究设计

• 研究条件:广东省肺癌研究所。

• 研究对象:180 例有成对肺腺癌标本的 EGFR 突变患者。

• 干预措施:见图 1。

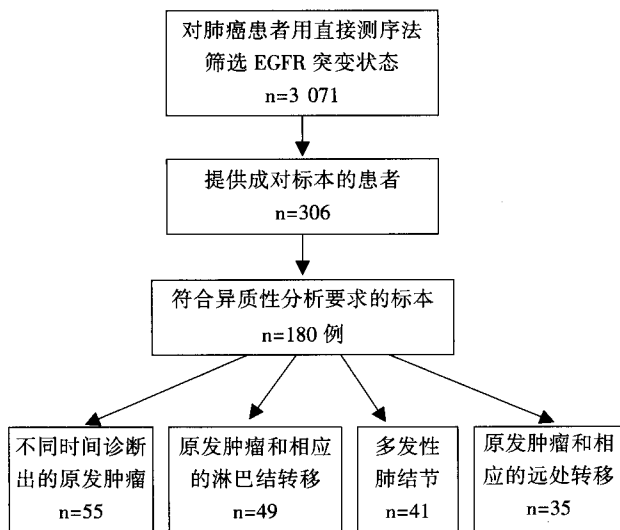


图 1 干预措施流程图

• 评价指标:采用 DNA 直接测序法分析所有成对标本的激活的 EGFR 突变。如果原发灶和相应的转移灶发生相同的突变,认为其为均质性。如果其突变不同,再采用高分辨率溶解曲线法(HRM)验证以保证直接测序的准确性。

## 6 主要结果

• 180 位参与试验患者的病理生理特征见表 1。

• 共 27 例采用 DNA 直接测序表现出 inconsistency,25 例采用 HRM 法进行了验证。试验病例的总体不一致率为 13.9%(25/180),EGFR 突变异质性病例的基本情况见表 2。

• 原发肿瘤和相应转移灶、同步多重性和异时性肿瘤组的 EGFR 突变异质性,见表 3。

• 多变量分析:在多发肺结节患者和接受 TKI 治疗的患者中,异质性显著升高。

## 7 结 论

亚洲肺腺癌患者中存在 EGFR 突变异质性,但整体的不一致率相对较低。仅多发肺结节患者的异质性比例明显较高,可对 EGFR-TKI 的肿瘤反应不一致性作出解释。

## 8 评 论

如果能统计一下 ClinicalTrials.gov 上登记的

表 1 患者的病理生理特征

特征	人数(百分比)	异质性病例	P 值
性别			0.87
男性	112(62.2%)	14(12.5%)	
女性	68(37.8%)	11(16.2%)	
年龄(岁)			0.53
≤60	101(56.1%)	16(15.8%)	
>60	79(43.9%)	9(11.4%)	
吸烟情况			0.95
吸烟	52(28.9%)	6(11.5%)	
不吸烟	128(71.1%)	19(14.8%)	
组别			0.028
A 组	55(30.6%)	5(9.1%)	
B 组	49(27.2%)	5(10.2%)	0.54
C 组	41(22.8%)	10(24.4%)	0.06
D 组	35(19.4%)	5(14.3%)	0.46
接受治疗状况			0.026
同步多重性肿瘤	40(22.3%)	3(7.5%)	
异时性肿瘤	140(77.7%)	22(15.7%)	
未经系统治疗	43(23.8%)	4(9.3%)	0.54
接受化疗	59(32.8%)	8(13.6%)	0.17
接受 TKI 治疗	38(21.1%)	10(26.3%)	0.006

A 组:不同时间诊断出的原发肿瘤; B 组:原发肿瘤和相应的淋巴结转移组; C 组:多发性肺结节组; D 组:原发肿瘤和相应的远处转移组。

临床试验,我们肯定会发现靶向药物几乎占据了现在抗肿瘤药物研发项目的全部。这意味着,在未来的 10 年(或者更短的时间里),靶向药物必将成为非小细胞肺癌治疗选择的主流。但是,肿瘤似乎永远比人类要聪明,新的问题又随之而来。今年以来,多篇研究肿瘤基因组学异质性的重量级文献,似乎又将我们带入了一个完全未知的肿瘤领域。一时间,各种繁复研究争相发表,但作为临床医生,总觉其是蜻蜓点水,都仅局限于科研层面的机制探索。

本文献以其精巧却又不失严密的逻辑设计和严谨详实的研究结果,从科研与临床两个方面,不但确证了肺癌 EGFR 突变存在异质性,而且对肿瘤异质性的临床意义也做了深入探讨,更难能可贵的是,该研究为将来肿瘤异质性,甚至是驱动基因理论的深入研究提供了宝贵的线索。

### 8.1 肿瘤异质性——老问题,新发现

众所周知,肺癌的肿瘤异质性的问题由来已久。最典型的实例便是腺鳞混合癌和复合型小细胞癌。此外,如果按 JTO(Journal of Thoracic Oncology)

表 2 EGFR 突变异质性病例特点

时间/治疗	病例	组别	性别	年龄 (岁)	吸烟 情况	病理学		取样标本		直接测序		HRM分析		间隔 (月)
						原发肿瘤	继发肿瘤	原发肿瘤	继发肿瘤	原发肿瘤	继发肿瘤	原发肿瘤	继发肿瘤	
同步多重性肿瘤	1	C	男	55	不吸烟	AD	AD	TTNA	TTNA	Del	WT	Exon 19	WT	0
	2	C	男	68	不吸烟	BAC	BAC	切除术	纤维支气管镜	WT	L858V	WT	Exon 21	0
	3	C	女	67	不吸烟	AAH	BAC	TTNA	切除术	Del	WT	Exon 19	WT	0
异时性肿瘤	4	B	男	50	不吸烟	AD	AD	TTNA	切除术	WT	L858R	Exon 21	Exon 21	1
	5	B	女	48	不吸烟	AD	AD	切除术	纵隔镜检查术	Del	WT	Exon 19	Exon 19	20
	6	C	女	47	不吸烟	BAC	BAC	切除术	切除术	L858R	WT	Exon 21	WT	23
化疗	7	C	男	56	不吸烟	AD	AD	切除术	TTNA	Del	WT	Exon 19	WT	32
	8	C	男	54	不吸烟	AD	AD	切除术	TTNA	Del	WT	Exon 19	WT	15
	9	D	女	54	不吸烟	AD	AD	切除术	TTNA	Del	WT	Exon 19	WT	43
	10	A	男	65	曾吸烟	AD	AD	TTNA	TTNA	Del	WT	Exon 19	WT	2
	11	A	男	67	曾吸烟	BAC	BAC	切除术	切除术	WT	Del	WT	Exon 19	3
	12	A	女	47	不吸烟	AD	AD	TTNA	切除术	L858R	WT	Exon 21	WT	3
	13	B	男	47	现吸烟	AD	AD	TTNA	LN取样	Del	WT	Exon 19	WT	7
	14	B	男	56	不吸烟	ADS	AD	切除术	纵隔镜检查术	L858R	WT	Exon 21	WT	3
	15	C	男	65	不吸烟	AD	AD	TTNA	TTNA	WT	L858R	WT	Exon 21	17
TKI 治疗	16	C	男	55	现吸烟	AD	AD	切除术	TTNA	WT	Del	WT	Exon 19	16
	17	C	女	54	不吸烟	BAC	BAC	切除术	切除术	Del	WT	Exon 19	WT	34
	18	A	女	53	不吸烟	AD	AD	TTNA	TTNA	Del	WT	Exon 19	WT	11
	19	A	男	54	不吸烟	AD	AD	TTNA	TTNA	Del	WT	Exon 19	WT	17
	20	B	男	55	不吸烟	AD	AD	切除术	LN取样	Del	WT	Exon 19	WT	3
	21	B	女	51	不吸烟	AD	AD	切除术	纵隔镜检查术	L858R	WT	Exon 21	WT	2
	22	B	女	60	不吸烟	AD	AD	切除术	LN取样	Del	WT	Exon 19	WT	2
	23	C	男	60	现吸烟	AD	AD	切除术	TTNA	Del	WT	Exon 19	WT	16
	24	D	男	46	不吸烟	AD	AD	TTNA	LN取样	Del	WT	Exon 19	WT	4
	25	D	女	59	不吸烟	AD	AD	TTNA	TTNA	L858R	WT	Exon 21	WT	11
	26	D	女	71	不吸烟	AD	AD	TTNA	TTNA	WT	Del	WT	Exon 19	35
	27	D	女	53	曾吸烟	AD	AD	TTNA	切除术	L858R	WT	Exon 21	WT	10

A组:原发灶及相应淋巴结转移组; B组:原发灶及相应淋巴结转移组; C组:多发性肺结节组; D组:原发灶及相应远处转移组。原发肿瘤: B组和D组的原发肿瘤, A组中的首次取样组织, 以及C组最大结节的提取组织。继发肿瘤:除原发肿瘤外的其他肿瘤。AD:腺癌; AAH:非典型腺瘤样增生; BAC:细支气管肺泡癌; Del:缺失; Exon 19:EGFR 19号外显子突变; EGFR:表皮生长因子受体; Exon 21:EGFR 21号外显子突变; LN:淋巴结; TKI:酪氨酸激酶抑制剂; TTNA:肺结节穿刺; WT:野生型。

表 3 5 例对 TKI 治疗的不一致性反应

编号	TKI 治疗 之前/之后	原发灶			转移灶			异质性
		位置	突变情况	反应情况	位置	突变情况	反应情况	
1	之前	肺部	Del		LN-4R	NA		不确定
	之后	肺部	Del	PD(+39.6%)	LN-4R	NA	SD(-22.4%)	
2	之前	肺部	Del		LN-1L	NA		不确定
	之后	肺部	Del	SD(-19.3%)	LN-1L	NA	新病灶	
3	之前	肺部	L858R		脑部	NA		是
	之后	肺部	NA	SD(-27.6%)	脑部	WT	新病灶	
4	之前	肺部	NA		LN-5	NA		是
	之后	肺部	Del	PR(-39.0%)	LN-5	WT	新病灶	
5	之前	肺部	Del		腹膜后	NA		是
					肾上腺	NA		
	之后	肺部	Del	PR(-34.1%)	腹膜后	WT	新病灶	
					肾上腺	缺失+T790M	新病灶	

Del:EGFR 19 号外显子缺失; L:左侧; LN:淋巴结; NA:未发生; PD:疾病进展; PR:部分缓解; R:右侧; SD:疾病稳定; WT:野生型。

上发表的最新肺腺癌分型来定义<sup>[1]</sup>,即便是我们之前认为的单纯腺癌,其中 93%也为具有不同预后意义的腺癌亚型的混合肿瘤。可见,病理学亚型上的肿瘤异质性这一老问题可谓十分普遍。

2008 年,已有部分学者发现肺癌基因组学层面也存在异质性。但是,直到近年来,随着全基因组测序技术的突破,才真正揭开了肿瘤基因组学的面纱。基于该技术,2012 年发表在新英格兰医学杂志的肾癌异质性研究首次证实了肿瘤基因异质性的存在<sup>[2]</sup>。之后,Nature、Science、Lancet Oncology 接连发表评论文章,探讨肿瘤基因异质性的机制及其重要意义。

显然,肿瘤异质性的故事尚未结束。2012 年底,在 Science 杂志发表的一篇重磅级论文中<sup>[3]</sup>,研究者采用单个癌细胞建立移植瘤模型进行传代培养。结果发现,在后代肿瘤细胞均具有相同基因组学变异的前提下,肿瘤细胞的功能却发生了明显变化。无论是肿瘤细胞的增殖能力还是对奥沙利铂的敏感性,均表现出惊人的不一致。由此,作者提出了肿瘤细胞还存在功能异质性的结论。

但是,上述研究仅在机制上证实了肿瘤异质性的存在。作为临床医师,我们不禁要问,肿瘤异质性对我们临床诊疗和转化性研究会带来何种影响,我想该研究的意义便在于此。

## 8.2 补足证据链——从实验室检测到临床表现

虽然已有研究证实了 EGFR 基因突变在非小细胞肺癌中存在异质性。但是,这些研究大多停留在实验室中对多点活检的肿瘤组织进行基因检测

的基础上。与其不同的是,由于巧妙地将肿瘤标本按照时间和空间上的不同分为 4 个组别,该研究首次从两个临床因素层面提示肿瘤异质性的存在,对我们的临床实践具有非常重要的指导意义。

首先,该研究的主要发现之一——多发肺部结节患者的肿瘤异质性发生率最高(26.3%,10/38)。先让我们把肿瘤想象成具有不同特征的人组成的人群,如果混在一起,我们很难对不同的人群进行区分,但是如果把这群人单个区分开来的话(单克隆肿瘤细胞的转移),其中的差异(异质性)便一目了然。因此,该研究中原发肿瘤和转移灶配对组(14.3%,5/35)、原发肿瘤与淋巴结转移配对组(10.2%,5/49)与异时性原发肿瘤组(9.1%,5/55)的异质性发生率依次降低,更是从临床层面印证了肿瘤异质性的存在。

其次,该研究的第二个发现——TKI 治疗组患者(而不是化疗组或未接受治疗组)的肿瘤异质性发生率明显升高(比值比 8.70,  $P=0.006$ )。由于肿瘤异质性的存在,在肿瘤内部同时可能存在 EGFR 突变型克隆和 EGFR 野生型克隆。如果 EGFR-TKI 将突变型克隆的癌细胞杀死,那么剩下能够增殖的便是以 EGFR 野生型为主的癌细胞,从而表现出原发诊断时没有发现的肿瘤异质性。

虽然上述两个发现均是证明肿瘤异质性存在的必要条件而非充分条件。但是,该研究首次提示了肿瘤异质性对我们临床诊疗的影响。由于 TKI 治疗后混合疗效的存在,为评价化疗药物疗效而建立的 RECIST 标准似乎已经不能(下转第 53 页)

者再次接受厄洛替尼联合 EGFR 单抗治疗,因此在疗效考核方面值得进一步讨论。

(5) 该研究是回顾性研究,样本量也不大,因此得到的结果需要未来前瞻性的研究来进一步证实。

### [参 考 文 献]

- [1] Becker A, Crombag L, Heideman DA, et al. Retreatment with Erlotinib: Regain of TKI sensitivity following a drug holiday for patients with NSCLC who initially responded to EGFR-TKI treatment[J]. *Eur J Cancer*, 2011,47(17):2603-2606.
- [2] Oh IJ, Ban HJ, Kim KS, et al. Retreatment of Gefitinib in patients with non-small-cell lung cancer who previously controlled to Gefitinib: A single-arm, open-label, phase II study[J]. *Lung Cancer*, 2012,77(1):121-127.
- [3] Yang JJ, Chen HJ, Yan HH, et al. Clinical modes of EGFR tyrosine kinase inhibitor failure and subsequent management in advanced non-small cell lung cancer[J]. *Lung Cancer*, 2013, 79(1):33-39.
- [4] Song ZB, Yu YF, Chen ZW, et al. Erlotinib as a salvage treatment for patients with advanced non-small cell lung cancer after failure of Gefitinib treatment [J]. *Chin Med J (Engl)*, 2011,124(15):2279-2283.
- [5] Miller VA, Hirsh V, Cadranel J, et al. Afatinib versus placebo for patients with advanced, metastatic non-small-cell lung cancer after failure of Erlotinib, Gefitinib, or both, and

one or two lines of chemotherapy (LUX-Lung 1): A phase 2b/3 randomised trial[J]. *Lancet Oncol*, 2012,13(5):528-538.

- [6] Sequist LV, Besse B, Lynch JT, et al. Neratinib, an irreversible pan-ErbB receptor tyrosine kinase inhibitor: Results of a phase II trial in patients with advanced non-small-cell lung cancer [J]. *J Clin Oncol*, 2010,28(18):3076-3083.
- [7] Ramalingam SS, Blackhall F, Krzakowski M, et al. Randomized phase II study of dacomitinib (PF-00299804), an irreversible pan-human epidermal growth factor receptor inhibitor, versus Erlotinib in patients with advanced non-small-cell lung cancer [J]. *J Clin Oncol*, 2012,30(27):3337-3344.
- [8] Schiller JH, Akerley WL, Brugger W, et al. Results from ARQ 197-209: A global randomized placebo-controlled phase II clinical trial of Erlotinib plus ARQ 197 versus Erlotinib plus placebo in previously treated EGFR inhibitor-naïve patients with locally advanced or metastatic non-small cell lung cancer (NSCLC) [J]. *J Clin Oncol*, 2010,28(18s): abstr LBA7502.
- [9] Scagliotti GV, Novello S, Schiller JH, et al. Rationale and design of MARQUEE: A phase III, randomized, double-blind study of Tivantinib plus Erlotinib versus placebo plus Erlotinib in previously treated patients with locally advanced or metastatic, nonsquamous, non-small-cell lung cancer[J]. *Clin Lung Cancer*, 2012,13(5):391-395.

[收稿日期] 2013-01-15

(上接第 49 页)完全适用于靶向药物。对现有肿瘤评价标准产生质疑,也是该研究的重要临床意义。

### 8.3 异质性肿瘤中的多重驱动基因——宝贵的线索

我们都知道,同为驱动基因变异的 EGFR 19 号外显子的缺失和 21 号外显子的 L858R 突变通常存在相互排斥。在该研究的肿瘤异质性中,都是上述一种变异与野生型共存,即便是在异时性的肿瘤中,也未发现上述两种变异的共存。基于肿瘤驱动基因理论,每一个癌细胞均应存在对驱动其恶性生长起主导作用的基因变异。因此,在这部分 EGFR 野生型的癌细胞中是否存在其他我们未知(或者说未探索过)的肿瘤驱动基因的变异呢?如果存在,在这些同一肿瘤中,除 EGFR 突变以外的基因变异又是什么呢?如果我们能有所发现,那么 EGFR-TKI 联合另一个(或者多个)靶向药物同时治疗的话,我们是否就能够在最大程度上杀死肿瘤呢(单用 EGFR-TKI 很少能达到完全缓解)?由于全基因组高通量测序技术的不断完善,解决上述难题似乎只是个时间问题。

两个重要发现,一条宝贵线索,不得不说该研究试验设计的合理性和分析结论的逻辑性非常值得我们临床医师学习。希望每位医师都不错过这篇必将影响我们将来靶向药物治疗策略的重要文献。

### [参 考 文 献]

- [1] Russell PA, Wainer Z, Wright GM, et al. Does lung adenocarcinoma subtype predict patient survival? : A clinicopathologic study based on the new International Association for the Study of Lung Cancer/American Thoracic Society/European Respiratory Society international multidisciplinary lung adenocarcinoma classification[J]. *J Thorac Oncol*, 2011, 6(9):1496-1504.
- [2] Gerlinger M, Rowan AJ, Horswell S, et al. Intratumor heterogeneity and branched evolution revealed by multiregion sequencing[J]. *N Engl J Med*, 2012,366(10):883-892.
- [3] Kreso A, O'Brien CA, van Galen P, et al. Variable clonal repopulation dynamics influence chemotherapy response in colorectal cancer[J]. *Science*, 2013,339(6119):543-548.

[收稿日期] 2012-12-25